

**L'Institut du Cerveau (ICM), recrute
Un(e) ingénieur(e) en bio-informatique (H/F)
Poste à pourvoir dès que possible
CDD de 18 mois
A Paris 13^{ème}**

Ce poste est ouvert aux personnes en situation de handicap.

L'Institut du Cerveau est une Fondation privée reconnue d'utilité publique dont l'objet est la recherche fondamentale et clinique sur le système nerveux. Sur un même lieu, 650 chercheurs, ingénieurs et médecins couvrent l'ensemble des disciplines de la neurologie, dans le but d'accélérer les découvertes sur le fonctionnement du cerveau et les développements de traitements sur les maladies comme : Alzheimer, Parkinson, Sclérose en plaques, épilepsie, dépression, paraplégies, tétraplégies, etc.

La plateforme de gestion et d'analyse des données de recherche en Neurosciences (iCONICS) a pour mission d'améliorer la collecte, le stockage, la gestion et l'analyse de l'ensemble des données médicales et scientifiques de l'Institut. L'équipe est constituée d'une quinzaine de personnes de spécialités variées et complémentaires : biostatisticien(ne)s, bioinformaticien(ne)s, data managers et développeur(se)s.

POSTE

Missions principales :

Vous participerez à l'analyse et à l'interprétation des données omiques neuro focalisées.
Votre travail consistera à :

- Assurer l'analyse bio-informatique des données issues des technologies NGS
- Développer et mettre en place des nouveaux pipelines pour l'analyse bio-informatique
- Assurer une veille scientifique et technique (rechercher des nouvelles méthodes/logiciels pour l'analyse du séquençage à haut débit).
- Fournir une expertise et des conseils méthodologiques aux équipes de recherche ;
- Accompagner les équipes et les projets de recherche dans la mise en place des plans d'analyse et le traitement des données biologiques et médicales ;
- Participer à des missions de formation en bio-informatique destinées aux biologistes, cliniciens et médecins.

PROFIL

Savoir :

- Expérience professionnelle souhaitée d'au moins un an dans le domaine souhaité
- Diplômes : Bac+5 (master ou ingénieur) en bio-informatique, ou niveau équivalent en biologie/informatique complété par une expérience professionnelle dans l'autre domaine

Savoir Faire :

- Expertise en analyse de données génomiques
- Maîtrise des environnements UNIX (shell)
- Maîtrise de la programmation (notamment des langages de script et R)
- Bonnes connaissances des outils standards de bio-informatique pour l'analyse et l'interprétation des données de séquençage haut-débit (DNA, RNAseq, Single-Cell RNAseq)
- Pratique experte d'au moins une méthode d'analyse des données NGS
- Autonomie pour apprendre rapidement des nouvelles méthodes adaptées à la grande variété des données
- Des compétences dans les domaines suivants serait un plus: versionnage du code avec GIT, utilisation de cluster de calcul (SLURM), utilisation de gestionnaire de workflow type Snakemake

Savoir-être :

- Bonne maîtrise de l'anglais scientifique ;
- Capacité d'intégration au sein d'une équipe multidisciplinaire;
- Capacité de communication avec des chercheurs venant d'horizons scientifiques variés ;
- Motivation pour les projets complexes et pour faire avancer la recherche en Neurosciences !

CV à envoyer à : recrutement@icm-institute.org en indiquant Poste « Bio-informaticien (h/f)»